

WYKŁADY Z ZASTOSOWANIA SPEKTROMETRII MAS W PROTEOMICE I GENOMICIE
MOBI4Health – Centrum Biotechnologii Molekularnej dla Zdrowego Życia
24 & 26 CZERWCA 2014, GDAŃSK

W imieniu Międzyuczelnianego Wydziału Biotechnologii Uniwersytetu Gdańskiego i Gdańskiego Uniwersytetu Medycznego (MWB UG i GUMed) oraz firm: KAWA.SKA Sp. z o. o. i AB SCIEX mamy przyjemność zaprosić Państwa do uczestnictwa w **serii wykładów** odbywających się w trakcie Warsztatów Spektrometrii Mas organizowanych w ramach Projektu MOBI4Health (7.PR UE), w dniach **24 oraz 26 czerwca** 2014 roku w Gdańsku (Aula B, budynek MWB UG i GUMed, ul. Kładki 24).

Sesje wykładowe podzielone są tematycznie. Dnia **24 czerwca** wykłady obejmować będą tematyką wykorzystanie spektrometrii mas w proteomice, natomiast dnia **26 czerwca** prezentacje skupią się będą na zastosowaniu spektrometrii mas w genomice.

Wykłady prowadzone będą w języku angielskim.

Osoby zainteresowane uprzejmie prosimy o zadeklarowanie chęci uczestnictwa wysyłając e-mail na adres: aleksandra.szwejk@ug.edu.pl **najpóźniej do dnia 13 czerwca br.**

PLAN WYKŁADÓW:

CZĘŚĆ I – PROTEOMIKA

24 czerwca (wtorek)

- 8:30 – 9:00 Rejestracja & poranna kawa
- 9:00 – 9:10 Powitanie
Prof. dr hab. Igor Konieczny, Dziekan MWB UG & GUMed
- 9:10 – 10:00 Theoretical basis of mass spectrometry
Dr Tomasz Bieńkowski, MASDIAG
- 10:00 – 10:50 Challenges in proteomics
Dr Volker Kruft, AB SCIEX
- 10:50 – 11:40 Applications of SWATH
Dr Andreas Otto, Ernst Moritz Arndt University Greifswald
- 11:40 – 12:40 Lunch kanapkowy
- 12:40 – 13:30 Mass spectrometry in marine natural products research
Prof. Hanna Mazur Marzec, Instytut Oceanografii, Uniwersytet Gdański
- 13:30 – 14:20 Proteomic background of fungal biodegradation
Dr Rafał Szewczyk, Uniwersytet Łódzki

CZĘŚĆ II – GENOMIKA

26 czerwca (czwartek)

- 8:30 – 9:00 Rejestracja & poranna kawa
- 9:00 – 9:10 Powitanie
Prof. dr hab. Igor Konieczny, Dean of IFB UG & MUG
- 9:10 – 10:00 Using mass spectrometry to monitor therapeutic efficacy
Prof. Charles Cantor, SEQUENOM
- 10:00 – 10:50 Sequenom MassArray at Karolinska Mutation Analysis Core Facility
Dr Kristina Duvelfelt, Karolinska Institutet
- 10:50 – 11:40 From Sequence to Data
Dr Henning Gohlke, SEQUENOM
- 11:40 – 12:40 Lunch kanapkowy
- 12:40 – 13:30 Molecular Blood Group Typing - from idea to panel (Hemo ID)
Beatrice Oelze, SEQUENOM
- 13:30 – 14:20 Spectrometry of nucleic acids - analytical possibilities and limitations
Dr hab. Tadeusz Malewski, Museum and Institute of Zoology, Polish Academy of Sciences

We współpracy z:



Projekt uzyskał dofinansowanie z Siódmego Programu Ramowego Unii Europejskiej dla badań, rozwoju technologicznego oraz demonstracji na podstawie umowy grantowej nr 316094